

Anton Perdih

NAJNOVEJŠI PODATKI O PREŽIVETJU ČLOVEŠTVA

Prva ocena o nastanku sedanje vrste žensk na podlagi genetskih podatkov, v tem primeru po raznolikosti mtDNK, se je pojavila leta 1987 (Cann in sod.). S pomočjo neverodostojne metodologije so ocenili, da je prednica sedanje vrste žensk nastala pred okoli 200 000 leti v Afriki. Kasneje so to oceno popravili na okoli 50 000 let in ta ocena se še dandanes vleče po večini svetovne literature in na njeni podlagi ocenjujejo še druge stvari, npr. da so piščal iz naše jame Divje babe naredili neandertalci in ne naše vrste ljudje.

Na podlagi podatkov o mutacijah na kromosomu Y iz leta 2010 je Kljosov (2011a,b) izračunal čas do skupnega prednika na 136 000 let in ta skupni prednik naj ne bi živel v Afriki. Še isto leto sta na podlagi novih podatkov Kljosov in Rožanski (2011) to popravila na 160 000 let, pri čemer sta izračunala »starost« tedaj na novo odkrite afriške haploskupine A00 na 266 000 let. Kljosov (2014) je tudi pokazal, da so vsa sklepanja o izvoru v Afriki neverodostojna. Od takrat se te ocene kljub uvedbi dodatne metodologije niso veliko spremenile. Stanje védenja do konca leta 2015 je zbrano v knjigi (Perdih 2016). Je pa dodatna metodologija pokazala, da so nekatere haploskupine, ki jim je Kljosova (2011a,b) metodologija dajala starost pod 70 000 let, v resnici nastale že prej, a so pred okoli 70 000 leti utrpeli hude izgube in skoraj izumrle (prešle »ozko grlo«). Kljosova (2011a,b) metodologija kaže ravno pojave »ozkih grl«.

V začetku maja 2016 so Fu in sod. (2016) objavili podatke o haploskupinah moških in žensk v številnih najdiščih, tabeli 1 in 2.

Tabela 1. Podatki, ki so jih dali Fu in sod. (2016), razvrščeni po času nastanka haploskupine na kromosomu Y (YFull 2015) - veji $F \rightarrow I$ in $F \rightarrow R$.

Najdišče	Starost najdišča (tisoči let)	mtDNK	Y-DNK	Približen čas nastanka Y-DNK (let pred sedanjostjo)
Věstonice 15 (CZ)	31,1–30,7	U5	BT	127 000
Cioclovina 1 (RO)	33,1–31,8	U	CT	84 000
Kostenki 12 (RU)	33,0–31,8	U2	CT	
Věstonice 13 (CZ)	31,1–30,7	U8c	CT	
Oase 1 (RO)	41,6–37,6	N	F	65 000
Věstonice 43 (CZ)	30,7–29,3	U	F	
Falkenstein (DE)	9,4–9,0	U5a2c	F	
Goyet Q2 (BE)	15,2–14,8	U8a	HIJK	48 000
Věstonice 16 (CZ)	30,7–29,3	U5	IJK	48 000

Najdišče	Starost najdišča (tisoči let)	mtDNK	Y-DNK	Približen čas nastanka (let pred sedanjostjo)
Paglicci 133 (IT)	34,6–31,2	U8c	I	
Hohle Fels 49 (DE)	16,0–14,3	U8a	I	
Burkhardshöhle (DE)	15,1–14,2	U8a	I	
Rochedane (FR)	13,1–12,8	U5b2b	I	
Chaudardes 1 (FR)	8,4–8,1	U5b1b	I	46 000
Berry au Bac (FR)	7,3–7,2	U5b1a	I	
Bichon (CH)	13,8–13,6	U5b1b	I2	
Loschbour (LU)	8,2–7,9	U5b1a	I2a1b	
KO1 (HU)	7,7–7,6	R3	I2a	
Motala 12 (SE)	7,7–7,6	U2c1	I2a1b*	
Ust Išim (RU)	47,5–42,6	R	K	46 000
Malta 1 (RU)	24,5–24,0	U	R	35 000
Karelija (RU)	8,8–8,0	C1g	R1a1	24 000
Villabruna (IT)	14,2–13,8	U5b2b	R1b1	21 000

Tabela 2. Podatki, ki so jih dali Fu in sod. (2016), razvrščeni po času nastanka haploskupine na kromosomu Y (YFull 2015) - veja C.

Najdišče	Starost najdišča (tisoči let)	mtDNK	Y-DNK	Približen čas nastanka (let pred sedanjostjo)
Vestonice 15 (CZ)	31,1–30,7	U5	BT	127 000
Cioclovina 1 (RO)	33,1–31,8	U	CT	84 000
Kostenki 12 (RU)	33,0–31,8	U2	CT	
Vestonice 13 (CZ)	31,1–30,7	U8c	CT	
Kostenki 14 (RU)	38,7–36,3	U2	C1b	C: 65 000
Goyet Q116-1 (BE)	35,2–34,4	M	C1a	
Pavlov 1 (CZ)	31,1–29,4	U5	C1a2	
La Brana 1 (ES)	7,9–7,7	U5b2c1	C1a2	

Po teh podatkih so v Dolnih Věstonicah na Češkem pred 29 do 31 tisoč leti živeli ljudje z najstarejšimi sedaj znanimi izven-afriškimi haploskupinami na kromosomu Y, to je s haploskupinami BT, CT, F in IJK. Haploskupin BT, CT in IJK pri sedaj živečih ljudeh še niso zaznali in so verjetno izumrle. Nosilci haploskupin BT in CT so bili predniki vseh sedanjih izven-afriških in marsikatere sedaj afriške haploskupine. Slednje

glavnih haploskupin, ki so potomke haploskupine BT, je naslednje (v oklepaju je čas nastanka po YFull, leta pred sedanjostjo; za tabeli 1 in 2 pomembne haploskupine so odebeljene):

BT (127 000) → **B** (84 000, v Afriko), **CT** (84 000)

CT (84 000) → **DE** (68 000), **CF** (68 000)

DE (68 000) → **D** (42 000, v južno in vzhodno Azijo), **E** (45 000, v Sredozemlje in Afriko)

CF (68 000) → **C** (65 000), **F** (65 000)

F (65 000) → **GHIJK** (48 000)

GHIJK (48 000) → **G** (48 000), **HIJK** (48 000)

HIJK (48 000) → **H** (48 000), **IJK** (48 000)

IJK (48 000) → **IJ** (46 000), **K** (46 000)

IJ (46 000) → **I** (46 000), **J** (46 000)

K (46 000) → **LT** (45 000)

LT (45 000) → **L** (43 000), **T** (43 000), **NO** (41 000), **P** (45 000)

NO (41 000) → **N** (36 000), **O** (36 000)

P (45 000) → **Q** (31 000), **R** (35 000)

R (35 000) → **R1** (30 000) → **R1a** (24 000), **R1b** (21 000)

Jurkovec (2015; 2017) je opazil, da v Evropi ravno na področju Alp in Balkana, v Afriki pa na afriškem višavju ni videti vpliva kozmogenega mega-cunamija izpred okoli 68 000 let. Iz tega lahko sklepamo, da so katastrofo pred okoli 70 000 leti, ki je izbrisala večino tedanjega človeštva, predniki Afričanov s haploskupinami A00, A0 in A1b1 preživeli na afriškem višavju, predniki večine sedanjega človeštva po moški strani pa na področju med Alpami, Karpati in Balkanom. Torej so moški predniki večine sedanjega človeštva, tudi večine sedanjih Afričanov, potomci tistih, ki so preživeli v tem delu Srednje Evrope. Ter da so bili potomci tistih, ki so preživeli v Srednji Evropi in ostali tam, predniki proto-Slovenov. Zato da Slovani nimamo ljudskega izročila o potopu (Jurkovec, osebno sporočilo, maj 2016).

Sklici

Cann R L, Stoneking M, Wilson A C, **1987**. Mitochondrial DNA and human evolution. *Nature*, 325, 31-36. <http://dx.doi.org/10.1038/325031a0>

Fu Q in 63 sod. **2016**, The genetic history of Ice Age Europe, *Nature*, doi:10.1038/nature17993

Jurkovec V P, **2015**, Климатическая катастрофа гаплогруппы «Бета», *Вестник Российской Академии ДНК-генеалогии*, 8 (3) 376-432; http://aklyosov.home.comcast.net/~aklyosov/8_3_2015

- Jurkovec V P, Vasilenko S I, **2017**, ДНК-генеалогия, палеоклимат и геоморфология. Гидродинамический карст, Вестник Академии ДНК-генеалогии, 10 (3) 1412-1442; <http://dna-academy.ru/proceedings/>
- Kljosov A A, **2014**, Reconsideration of the “Out of Africa” Concept as Not Having Enough Proof, *Advances in Anthropology*, 4(1), 18-37 (<http://www.scirp.org/journal/aa>) <http://dx.doi.org/10.4236/aa.2014.41004>
- Kljosov A A, **2011a**, DNA genealogy of the major haplogroups of Y chromosome (Part 1), *Вестник Российской Академии ДНК-генеалогии*, 4 (6) 1257-1282; http://www.lulu.com/items/volume_71/10723000/10723072/2/print/10723072.pdf
- Kljosov A A, **2011b**, ДНК-генеалогия основных гаплогрупп мужской половины человечества (Часть 2), *Вестник Российской Академии ДНК-генеалогии*, 4 (7), 1367-1494; http://www.lulu.com/items/volume_70/10916000/10916591/1/print/10916591.pdf
- Kljosov A A, Rožanski I L, **2011**, Архаичная (архантропная в терминах антропологии) линия гаплогруппы А, *Вестник Российской Академии ДНК-генеалогии*, 4 (7), 1495-1502; http://www.lulu.com/items/volume_70/10916000/10916591/1/print/10916591.pdf
- Perdih A, **2016**, *Izvor Slovencev in drugih Evropejcev*, 2. izd., Ljubljana: Jutro
- YFull **2015**: YFull, <http://www.yfull.com/tree/>